

# МИКРОБИОМ РТА ЗДОРОВЫХ ЮНОШЕЙ И С ХРОНИЧЕСКОЙ АРТЕРИАЛЬНОЙ ГИПЕРТЕНЗИЕЙ

Кравчук Э.С., Червинец Ю.В.

Научный руководитель – д.м.н., проф. Червинец В.М.

ФГБОУ ВО Тверской ГМУ Минздрава России, Тверь, Россия

## ORAL MICROBIOMES OF HEALTHY YOUNG PEOPLE AND WITH CHRONIC ARTERIAL HYPERTENSION

Kravchuk E.S., Chervinets Yu.V.

Scientific adviser - Doctor of Medical Sciences, prof. Chervinets V.M.

Tver State Medical University, Tver, Russian

По данным ВОЗ от кардиальной патологии в 2017 г. умерло **17,9 млн. человек** - **31%** смертельных случаев в мире.

Причем, по оценкам ученых, причиной **9 млн. смертей** ежегодно становится **повышенное артериальное давление**

По данным Росстата, за последние 5 лет, **заболеваемость** юношей призывного возраста по всем классам болезней (в т.ч. АГ) **возросла на 21%**, поэтому **количество** призывников в Вооружённые силы РФ **снизилось на 15%**



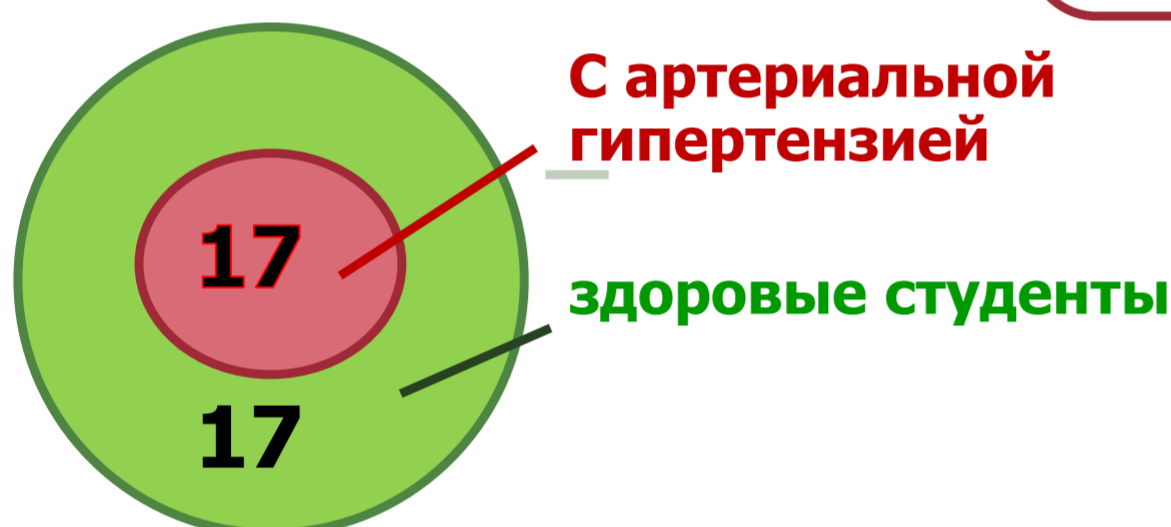
**Цель исследования** - изучить качественный и количественный состав, частоту встречаемости микроорганизмов в ротовой полости здоровых студентов и страдающих артериальной гипертензией

### Материалы и методы

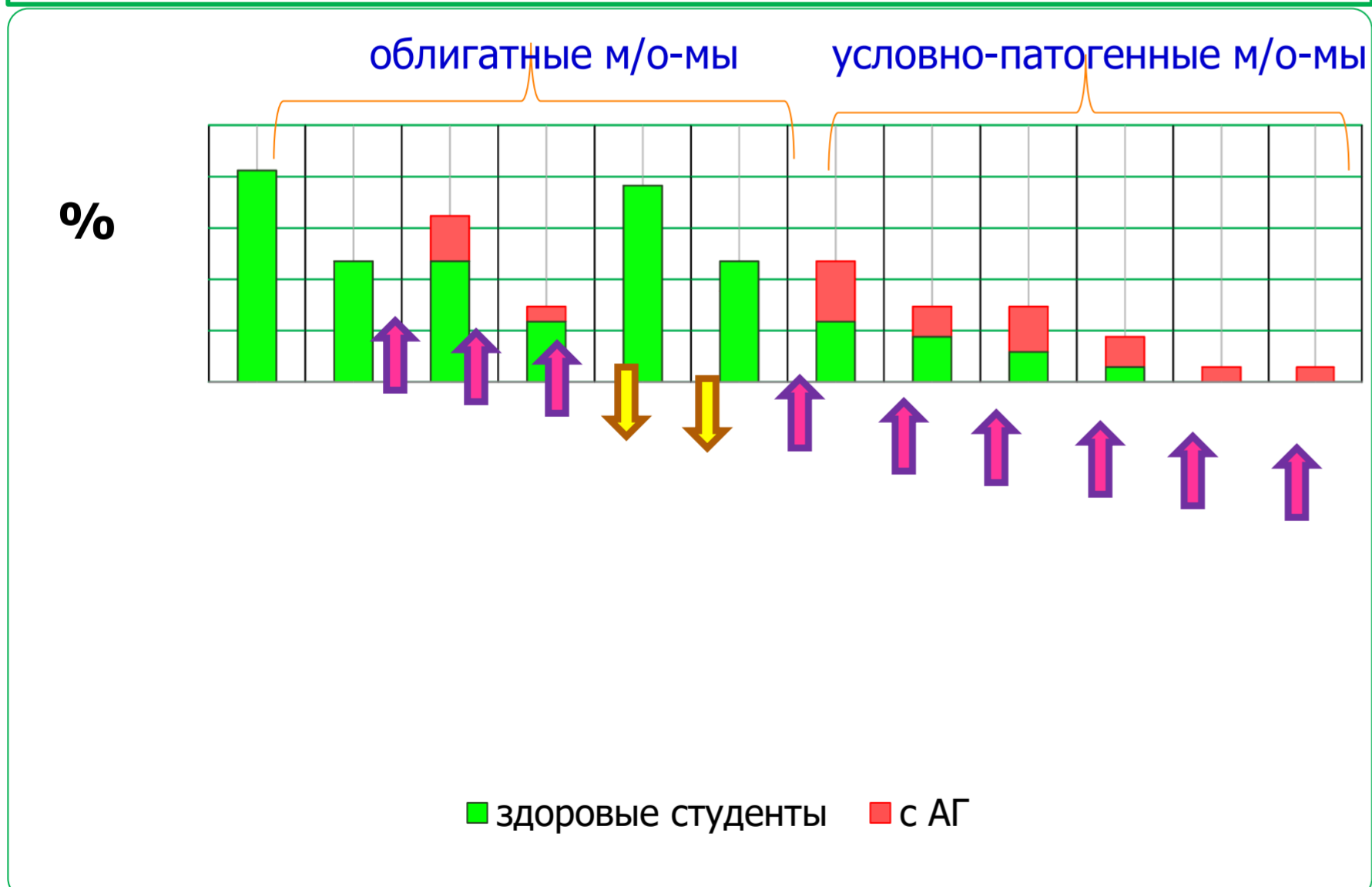
**1.** В обследовании участвовали **34** клинически здоровых юношей студентов (18-22 лет) ТГМУ:

**2.** Для изучения **количественного и качественного состава** микробиома рта использовали бактериологические методы выделения и идентификации микроорганизмов

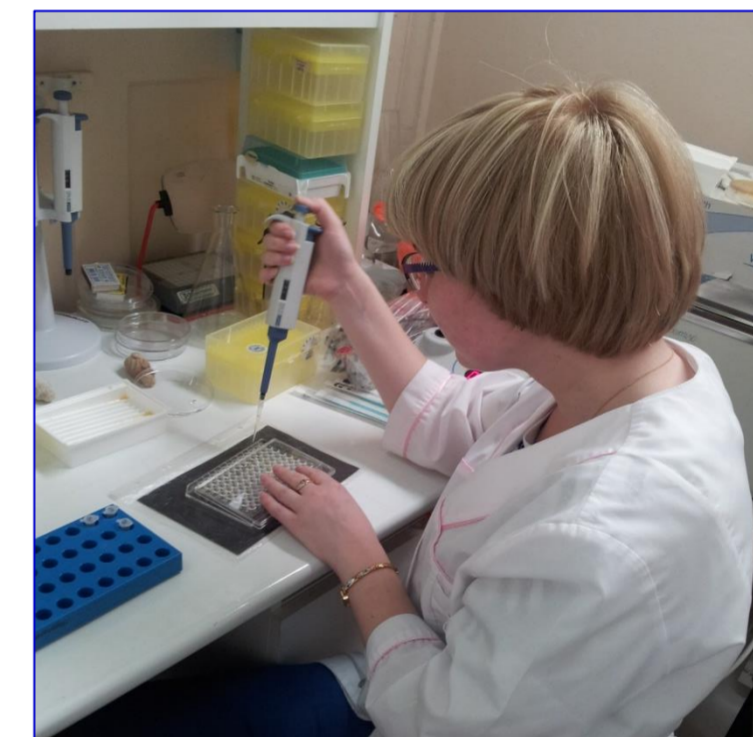
**3.** Статистическая обработка материалов исследований с помощью прикладной программы "БИОСТАТ" (Version 4.03),  $p < 0,5$



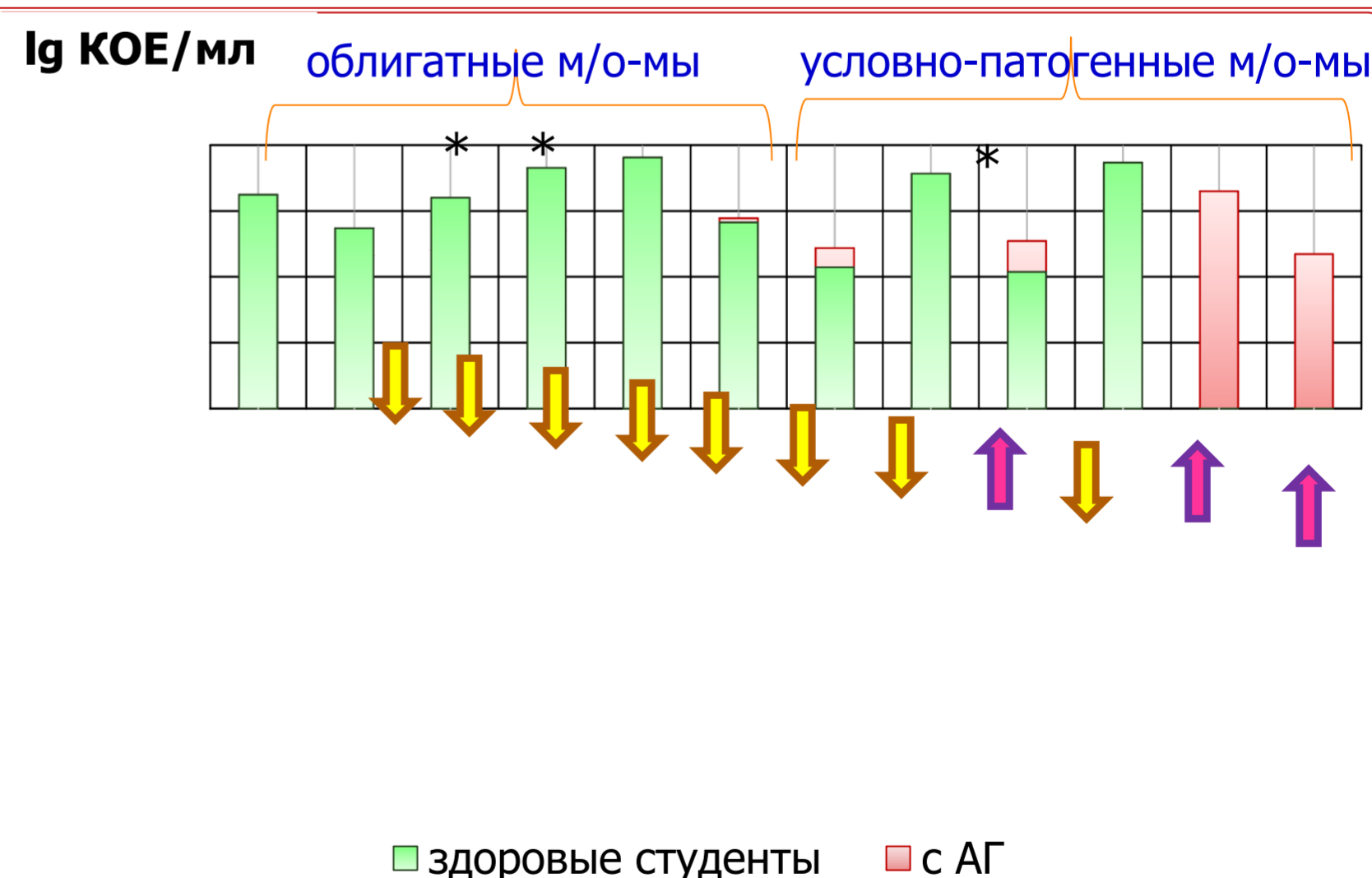
### Спектр и частота встречаемости микроорганизмов в слюне здоровых юношей и имеющих АГ



По мнению Jing Li и соавт. (2017) существует взаимосвязь между дисбиозом, обусловленным преобладанием превотелл и клебсиелл, с развитием АГ.



### Количество микроорганизмов в слюне здоровых юношей и имеющих АГ



**Выводы.** При бактериологическом анализе микробиома полости рта здоровых юношей и с артериальной гипертензией выявили **повышение** частоты встречаемости условно-патогенных представителей (*Bacillus*, *Clostridium*, *S. aureus*, *Enterococcus*) у последних и **снижение** количества облигатных микроорганизмов (*Lactobacillus*, *Bifidobacterium* и *Peptococcus*).